

ASSOCIAÇÃO ENTRE O POLIMORFISMO NO GENE CYP1A1 E LÚPUS ERITEMATOSO SISTÊMICO.



Ornelas, AV; Cunha, RAS; Araújo, TAF; Cardoso, LCA; Borges, F.S.A.; Siqueira, LBN, Souza, T.M; Freire, DO; Cipriano, VTF; Kogawa, EM; Lins, CEC; Ferreira, LB; Silva, ICR.

Contato: rascunha92@gmail.com

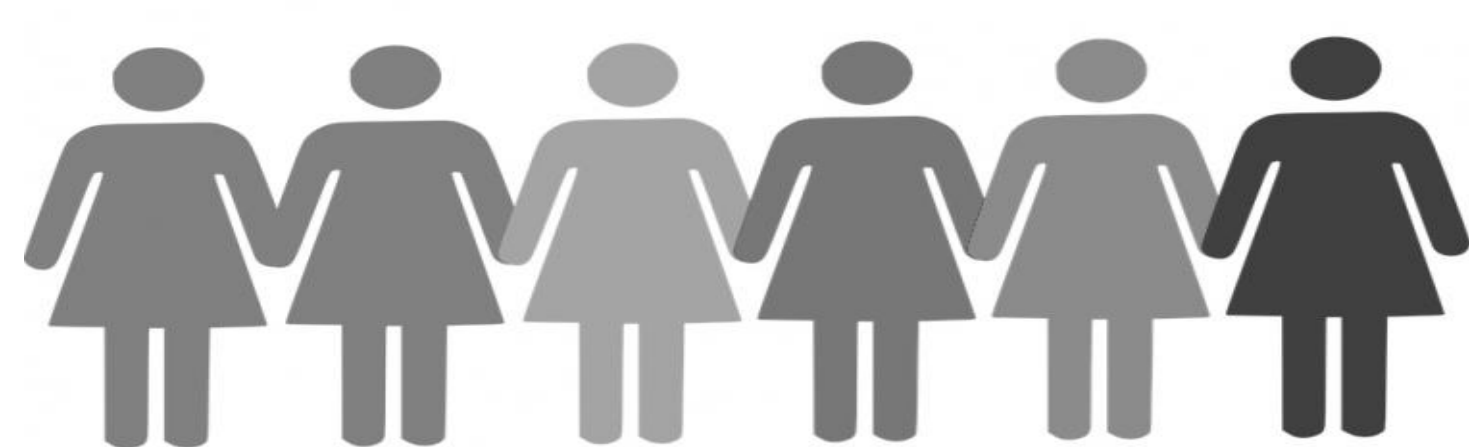


INTRODUÇÃO

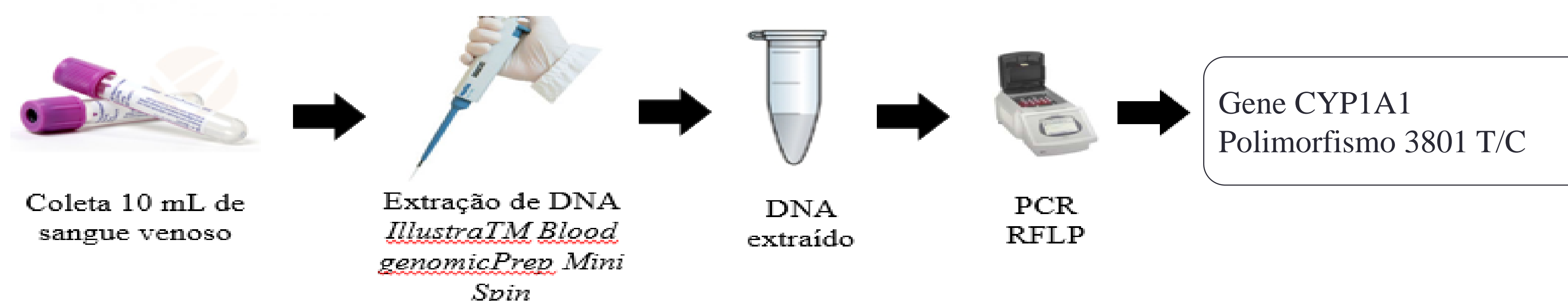
O Lúpus eritematoso sistêmico (LES) é uma doença autoimune de caráter sistêmico que possui manifestações clínicas iniciadas pela produção de autoanticorpos contra antígenos nucleares, de superfície celular e proteínas do soro. O genótipo CC do polimorfismo CYP1A1 T3801C foi associado com o aumento da atividade metabólica e é possível que esta variante resulte na formação de espécies reativas de oxigênio, sendo *upstream* na sinalização do TNF e na subsequente inflamação, tornando-se essencial na patogênese do LES. Portanto, o objetivo deste estudo foi identificar a distribuição dos Polimorfismos de Único Nucleotídeo no gene CYP1A1 (variante CYP1A1*2A -rs4646903; 3801T>C) em pacientes portadores de LES.

MÉTODOS

N = 257, LES; N=128



Dados clínicos dos pacientes → revisão de prontuários médicos e questionário com dados antropométricos



O presente estudo teve aprovação Comitê de ética (CEP) – FEPECS Parecer 309/2009

CONCLUSÕES

Estes resultados indicam que o SNP rs4646903 está associado com a predisposição e o prognóstico de LES.

RESULTADOS

A frequência genotípica do polimorfismo rs4646903 no gene CYP1A1 nos controles estava em equilíbrio Hardy-Weinberg (P = 0,1506).

Tabela 1- Polimorfismo do gene CYP1A1 em pacientes com LES e controles

	Grupo		P	OR	IC (OR)	
	LES	Controle				
	N	%	N	%		
TT	99	38,5	66	51,6	0,0452*	N/A
CT	125	48,6	47	36,7		
CC	33	12,8	15	11,7		
Total	257	100,0	128	100,0		
CT	125	48,6	47	36,7	0,026*	1,63
CC/TT	132	51,4	81	63,3		1,05-2,52
Total	257	100,0	128	100,0		
T	323	62,8	179	69,9		
C	191	37,2	77	30,1	0,0519	0,73
Total	514	100,0	256	100,0		0,53-1,00

* P<0,05; N/A: não se aplica

Tabela 2- Distribuição da presença das manifestações clínicas em pacientes com LES conforme a frequência genotípicas de CYP1A1

	CYP1A1		P	OR	IC (OR)		
	CT	CC/TT					
	N	%	N	%			
ARTRITE NÃO EROSIVA – ACR	112	49,6%	114	50,4%	0.42	1.36	0.63- 2.90
RASH MALAR – ACR	99	74,4%	34	25,6%	<.0001*	10.97	6.13- 19.64
FOTOSSENSIBILIDADE – ACR	92	60,5%	60	39,5%	<.0001*	3.34	1.98- 5.65
SEROSITES – ACR	35	40,2%	52	59,8%	0.06*	0,6	0.35- 1.01
NEFRITES – ACR	57	43,8%	73	56,2%	0.13	0.67	0.41- 1.10
HEMATOLÓGICO – ACR	104	48,8%	109	51,2%	1.0	1.04	0.54- 2,0
ÚLCERAS ORAIS/NASAIS – ACR	31	63,3%	18	36,7%	0.02	2.08	1.09- 3.96
FAN – ACR	123	48,2%	132	51,8%	0.23	0	N/A
ALTERAÇÃO IMUNOLÓGICA – ACR	76	43,9%	97	56,1%	0.030*	0.55	0.33- 0.94
PSICOSE CONVULSÕES – ACR	17	50,0%	17	50,0%	0.86	1.06	0.51- 2.19
EDEMA	38	41,8%	53	58,2%	0.11	0.65	0.38- 1.09
FAN – ALTERADO	124	48,6%	131	51,4%	1.0	N/A	N/A
RNP – ALTERADO	36	51,4%	34	48,6%	0.32	1.34	0.74- 2.43
ANTI Ds DNA – ALTERADO	58	45,3%	70	54,7%	0.16	0.70	0.42- 1.15
COMPLEMENTO – ALTERADO	90	46,4%	104	53,6%	0.17	0.67	0.37- 1.18
ANTICARDIOLIPINA – ALTERADO	8	36,4%	14	63,6%	0.58	0.75	0.28- 2.04
INIBIDOR LÚPICO – ALTERADO	1	16,7%	5	83,3%	0.41	0.34	0.03- 3.16

* P<0,05; N/A: não se aplica

FOMENTO

